

NR-55712来自SARS相关冠状病毒2的刺突糖蛋白(稳定), B.1.621谱系(Mu变体), 带有C末端组氨酸和Avi标签, 来自HEK293细胞(蛋白质)的重组

[下载为PDF](#)

- 56 次围观

产品图片



产品英文名称

[NR-55712_Spike Glycoprotein \(Stabilized\) from SARS-Related Coronavirus 2, B.1.621 Lineage \(Mu Variant\) with C-Terminal Histidine and Avi Tags, Recombinant from HEK293 Cells\(Proteins\)](#)

产品别名

[NR-55712_Spike Glycoprotein \(Stabilized\) from SARS-Related Coronavirus 2, B.1.621 Lineage \(Mu Variant\) with C-Terminal Histidine and Avi Tags, Recombinant from HEK293 Cells\(Proteins\)](#)

[NR-55712 来自 SARS 相关冠状病毒 2 的刺突糖蛋白 \(稳定\), B.1.621 谱系 \(Mu 变体\), 带有 C 末端组氨酸和 Avi 标签, 来自 HEK293 细胞 \(蛋白质\) 的重组](#)

货号/SKU

NR-55712

货号/规格

EA

库存与交货期

3-8周

人民币价格

14000

人民币价格说明

本商品人民币2024年销售价格正在调整中，请等待更新完毕。

本商品的展示的人民币价格已包含商品本身金额、VAT增值税13%、国际运输运费、国内物流运费、运输保险、以及冷链包装材料（例如液氮罐、泡沫箱、金属桶、蓝冰、湿冰、干冰、蓄冷剂、液氮等）、装卸费、相关资料费、人力支出等一切费用。

本商品的美元价、市场价、零售价、厂商指导价或该商品的曾经展示过的销售价等，并非商品原价，仅供参考。

试剂海关审批

A/B级风险物质只能直接使用者购买并持有实验室有效资质，其它询客服确认

国外采购

支持/部分限制一年内购买数量

厂牌

BEI Resources(ATCC)

品牌

[BEI Resources](#)

产品基础信息

生物安全等级建议分类：美国、1

产品描述信息

NR-55712?? Spike Glycoprotein (Stabilized) from SARS-Related Coronavirus 2, B.1.621 Lineage (Mu Variant) with C-Terminal Histidine and Avi Tags, Recombinant from HEK293 Cells(Proteins)|SARS-Related Coronavirus 2|Spike Glycoprotein (Stabilized) from SARS-Related Coronavirus 2, B.1.621 Lineage (Mu Variant) with C-Terminal Histidine and Avi Tags, Recombinant from HEK293 Cells|-20°C or colder|BEI Resources Acknowledgment for publications should read "The following reagent was obtained through BEI Resources, NIAID, NIH: Spike Glycoprotein (Stabilized) from SARS-Related Coronavirus 2, B.1.621 Lineage (Mu Variant) with C-Terminal Histidine and Avi Tags, Recombinant from HEK293 Cells, NR-55712."|Quantity limit per order for this item is 1. This item can be ordered twice a year. Orders over this limit will be sent to NIAID for approval before shipment.

A recombinant form of the spike (S) glycoprotein from severe acute respiratory syndrome-related coronavirus 2 (SARS-CoV-2), B.1.621 lineage (Mu variant) was produced in human embryonic kidney HEK293 cells and purified by immobilized metal affinity chromatography. NR-55712 lacks the signal sequence and contains 1197 residues (ectodomain) of the SARS-CoV-2 S glycoprotein; the recombinant protein was stabilized by substitution at the furin S1/S2 cleavage site (RRAR→GSAS; residues 682 to 685) and KV→PP mutations (residues 986 and 987; wild type numbering), and includes a T4 foldon trimerization domain, HRV3C protease cleavage site and C-terminal octa-histidine tag fused to an AviTag? BirA biotinylation acceptor sequence. NR-55712 includes T95I, insert143T, Y144S, Y145N, R346K, E484K, N501Y, D614G, P681H and D950N mutations in the S glycoprotein as compared to the SARS-CoV-2 reference sequence (GenPept: [QHD43416](#)). NR-55712 has a theoretical molecular weight of 139,700 daltons. The crystal structure for trimeric S glycoprotein from SARS-CoV-2 has been solved at 3.46 ? resolution (PDB: [6VSB](#)).

The S glycoprotein mediates viral binding to the host angiotensin converting enzyme 2 (ACE2). This protein forms a trimer, and when bound to a host receptor allows fusion of the viral and cellular membranes. B.1.621 is one of several lineages and sublineages designated Mu by the World Health Organization (WHO) and was first identified in Columbia in January 2021. This lineage contains several key mutations of importance to the S glycoprotein: the E484K mutation has been identified in escape mutants from convalescent antisera, and is thought to play a role in the loss of antibody neutralizing activity; N501Y increases S glycoprotein binding to ACE2, resulting in increased SARS-CoV-2 virulence; D614G, which is common to the current variants of interest and concern identified by the Centers for Disease Control and Prevention (CDC), was one of the first documented in the U.S. in the initial stages of the pandemic and demonstrates evidence of increasing virus transmissibility; and mutation P681H, part of the S1/S2 proteolytic cleavage site for furin proteases, results in increased cleavage efficiency and may alter antibody recognition sites.

Each vial contains approximately 100 ?L of NR-55712 in 10 mM HEPES, pH 7, 150 mM NaCl and 2 mM ethylenediamine-tetraacetic acid (EDTA).

Additional information and tools are available at [ViPR](#) (Virus Pathogen Resource).

主要内容

此项目的每个订单数量限制为1.此商品每年可订购两次.此限制的订单将在发货前发送到NIAID批准.在人胚胎肾 HEK293细胞中制备了来自严重急性呼吸综合征相关的冠状病毒2 (SARS-COV-2), B.1.621谱系 (MU变体)的重组形式.通过固定化金属亲和层析纯化. NR-55712缺乏信号序列并含有1197个残基 (Ectodomain)的SARS-COV-2 S糖蛋白;通过在Furin S1 / S2切割位点 (RrAr→GSAs;残基682至685)和KV→PP突变 (残留物986和987;野生型编号), 并包括T4 Folcon三聚化结构域, HRV3C, 通过取代重组蛋白质蛋白酶切割位点和C末端Octa-组氨酸标签与Avitag?Bira Biotinylation受体序列融合.与SARS-COV-2参考序列 (Genpept:) . NR-55712具有139,700道尔顿的理论分子量. SARS-COV-2的三聚糖蛋白的晶体结构已在3.46?分辨率 (PDB: 6vsb) 中得到解决. S糖蛋白介导与宿主血管紧张素转化酶2 (ACE2)的病毒结合.这个蛋白质 形成三聚体, 并且当与宿主受体结合时, 允许融合病毒和细胞膜. B.1.621 是世界卫生组织 (世卫组织) 指定了MU的几个谱系和Sublineages之一, 并于2021年1月首次在哥伦

比亚确定.该谱系含有几个对S糖蛋白的关键突变: E484K突变已在逃生突变体中鉴定出逃生突变体康复抗苏格拉, 并且被认为在抗体中和活动的丧失中发挥作用; N501Y增加了与ACE2结合的糖蛋白结合, 导致SARS-COV-2毒力增加; D614G是疾病控制和预防中心所识别的当前感兴趣的变体和疑虑 (CDC) 是共同的 在大流行的初始阶段中首次记录在大流行的阶段之一, 并证明了增加病毒传播性的证据;和突变p681h, Furin蛋白酶的S1 / S2蛋白水解切割位点的一部分, 导致裂解效率增加, 并且可以改变抗体识别位点. 每个小瓶在10mM HEPES, pH 7,150mM NaCl和2mM乙二胺 - 四乙酸 (EDTA) 中含有约100µl的NR-55712. vipr (病毒病原体资源) 提供了附加信息和工具.

厂牌介绍

BEI Resources 由美国国家过敏和传染病研究所 ([NIAID](#)) 成立, 旨在为研究 [A、B 和 C 类](#) 优先病原体、[新兴传染病](#) 病原体、非病原微生物和其他相关微生物材料提供试剂、工具和信到研究界。BEI Resources 获取、验证和生产科学家进行基础研究和开发改进的诊断测试、疫苗和疗法所需的试剂。通过将这些功能集中在 BEI Resources 中, 可以监控科学界对这些材料的访问和使用, 并确保试剂的质量控制。

除了为传染病界提供材料外, BEI Resources 还鼓励和支持研究人员和机构的材料存放。 [使用 BEI Resources 存放材料](#) 对研究人员和研究社区有许多优势, 包括安全存储、社区访问和分发; 同时保护存款人的知识产权。只要有需要, BEI 资源库将作为研究人员的资源进行维护。您在 BEI Resources 的存款是一项有助于未来研究的长期投资。

BEI Resources 自 2003 年起由 [美国典型培养物保藏中心 \(ATCC\) 根据合同管理](#)。2016 年 5 月, [ATCC](#) 获得了一份为期七年的继续管理 BEI Resources 的合同。合同范围已扩大到更全面的研究目录材料, 包括由其他政府支持的研究项目存放的材料, 将提供给生物防御和新兴传染病科学界。真菌、寄生虫、载体和其他相关材料已添加到现有的细菌、病毒和毒素试剂中, 涵盖 NIAID A、B 和 C 类优先病原体和 NIAID 指定的新发传染病病原体和生物。

品牌标识

bei RESOURCES

SUPPORTING INFECTIOUS DISEASE RESEARCH

产品关键词

[BEI Resources生物材料代理进口报关公司](#)

[如何购买可以直接从BEI Resources购买菌种吗](#)

[BEI Resources生物材料库中国官网是?](#)

[BEI Resources生物材料库中国代理](#)

[BEI Resources怎么查询菌株抗体细胞](#)

[NR-55712 来自 SARS 相关冠状病毒 2 的刺突糖蛋白\(稳定\)](#)

[B.1.621 谱系\(Mu 变体\)](#)

[带有 C 末端组氨酸和 Avi 标签](#)

[来自 HEK293 细胞\(蛋白质\) 的重组, NR-1_Vaccinia virus](#)

[Modified Vaccinia Ankara \(MVA\)\(Viruses\)](#)

[Modified Vaccinia Ankara \(MVA\), 生物试剂报关BEI Resources](#)

[NIAID](#)

[NIH](#)

[NIAID全称是美国国家过敏和传染病研究所](#)

一键获取大包装优惠报价

- 无 -

选择您的报价场景

- 【我们直接使用】 需要优惠报价、大包装规格、货期 -- ---->[报价默认含增值税13%发票; 尽量提供货号、规格、需求数量]
- 【需要技术文档】 产品说明书、COA、MSDS、手册 -- ---->[默认提供说明书或者COA, 特别技术指标要求请下面填入详细描述]
- 【我帮客户找货】 需要优惠报价、大包装规格、货期 -- ---->[报价默认含增值税13%发票]
- 【推荐替代产品】 需要优惠报价、大包装规格、货期 -- ---->[提供替代产品的价格, 默认含增值税13%发票]
- 【我能原厂直采】 请只提供代理进口清关服务的报价 -- ---->[适合只需要进口许可证代办服务、清关服务的专业级买家, 独立服务]
- 【其它报价场景】

请输入您的情况与报价要求

报价要求详细描述

贵单位贵姓

接受报价的E-mail

手机扫描二维码阅读本页



可能感兴趣的内容

[HM-34柠檬酸杆菌属,30_2\(细菌\)](#)

2022-04-01

[道康宁DC184 SYLGARD 184灌封胶PDMS 110g](#)

2021-12-02

[NR-13472结核分枝杆菌,CDC1551TransposonMutant34\(MT1862,Rv1814\)\(突变细菌\)](#)

2022-04-01

[NR-22091_肠沙门氏菌,SerovarNewport,分离物S8949\(细菌\)](#)

2022-04-01

[专家提出噬菌体防御系统基因的影响应引起重视](#)

2022-06-17

[MRA-742chabaudichabaudi疟原虫,AS\(3CO\)\(寄生原生动\)](#)

2022-04-01

[NR-28911来自成年雌性曼氏血吸虫的基因组DNA,菌株NMRI\(核酸\)](#)

2022-04-01

[NR-3228多克隆抗仙台病毒,\(抗血清,豚鼠\)\(多克隆抗血清\)](#)

2022-03-31

[NR-46819金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌,USA300JE2,转座子突变体SAUSA300_0293\(NE276\)\(突变体细菌\)](#)

2022-04-01

[NR-42566_晚期免疫性乙型肝炎病毒抗血清\(多克隆抗血清\)](#)

2022-04-01

[呼肠孤病毒\(REO\) FITC共轭物1毫升](#)

2019-05-08

[抗CD63 \[ME491\]抗体](#)

2021-12-21

[NR-50234_寨卡病毒,PLCal_ZV?\(人类/2013/泰国\)\(病毒\)](#)

2022-04-01

[研究揭示隐藻的光适应与捕光调节机制](#)

2024-08-19

[NR-10133金黄色葡萄球菌,TCH1516\(细菌\)](#)

2022-04-01

[NR-3976多克隆抗黄斑支原体,PG-15,\(抗血清,驴\)\(多克隆抗血清\)](#)

2022-03-31

[NR-48130金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌,USA300JE2,转座子突变体SAUSA300_1783\(NE1588\)\(突变细菌\)](#)

2022-04-01

[NR-29036_甲型流感病毒,A/PuertoRico/8-CV9/1934\(H1N1\)\(病毒\)](#)

2022-04-01

[NR-38044型登革热病毒,D85-019\(病毒\)](#)

2022-03-31

[NR-47063金黄色葡萄球菌亚种金黄色葡萄球菌、JE2、转座子突变体NE520\(SAUSA300_1452\)\(突变细菌\)](#)

2022-04-01