

NR-55697SARS相关冠状病毒2,分离株hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021(B.1.630谱系)(病毒)

[下载为PDF](#)

- 5 次围观

产品图片



产品英文名称
[NR-55697_SARS-Related Coronavirus 2, Isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 \(Lineage B.1.630\)\(Viruses\)](#)

产品别名
[NR-55697_SARS-Related Coronavirus 2, Isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 \(Lineage B.1.630\)\(Viruses\)](#)
[NR-55697 SARS 相关冠状病毒 2，分离株 hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021（B.1.630 谱系）（病毒）](#)

货号/SKU
NR-55697

货号/规格
EA
库存与交货期

3-8周
人民币价格
14000

人民币价格说明
本商品人民币2024年销售价格正在调整中，请等待更新完毕。

本商品的展示的人民币价格已包含商品本身金额、VAT增值税13%、国际运输运费、国内物流运费、运输保险、以及冷链包装材料（例如液氮罐、泡沫箱、金属桶、蓝冰、湿冰、干冰、蓄冷剂、液氮等）、装卸费、相关资料费、人力支出等一切费用。

本商品的美元价、市场价、零售价、厂商指导价或该商品的曾经展示过的销售价等，并非商品原价，仅供参考。

试剂海关审批
A/B级风险物质只能直接使用者购买并持有实验室有效资质，其它询客服确认
国外采购
支持/部分限制一年内购买数量
厂牌
BEI Resources(ATCC)
品牌

BEI Resources

产品基础信息

生物安全等级建议分类：美国、3

产品描述信息

NR-55697 SARS-Related Coronavirus 2, Isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 (Lineage B.1.630)(Viruses)|SARS-Related Coronavirus 2|Isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 (Lineage B.1.630)|-60°C or colder|P Halfmann, Y Kawaoka Acknowledgment for publications should read "The following reagent was obtained through BEI Resources, NIAID, NIH: SARS-Related Coronavirus 2, Isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 (Lineage B.1.630), NR-55697, contributed by Peter Halfmann and Yoshihiro Kawaoka."|Quantity limit per order for this item is 1. This item can be ordered twice a year. Orders over this limit will be sent to NIAID for approval before shipment. Severe acute respiratory syndrome-related coronavirus 2 (SARS-CoV-2), isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 was isolated from a nasal swab from a human in Madison, Wisconsin, USA, in July 2021. Note: Genome sequence information is provided on the Certificate of Analysis and includes an analysis of all sequence variations observed for each lot. Note: The reference sequence used in this analysis, EPI_ISL_3190270, differs from EPI_ISL_5335935, the passage 1 sequence submitted for this virus. Due to quality issues in EPI_ISL_5335935, this sequence was not ideal for comparing sequence of NR-55697. Selection of EPI_ISL_3190270 as the reference sequence was accomplished by mapping the in-house sequence reads to the Wuhan-Hu-1 sequence, generating a consensus sequence, and submitting that sequence to the GISAID Audacity Instant tool to find the most closely related sequence. While EPI_ISL_3190270 and EPI_ISL_5335935 are different, both belong to the Pango Lineage B.1.630, and all of the amino acid mutations characteristic of this lineage are present in the NR-55697 sequence. Note: Due to the dynamic nature of lineage determination using PANGO, it is recommended to confirm provided GISAID information prior to initiation of work. Under the nomenclature system introduced by GISAID (Global Initiative on Sharing All Influenza Data), SARS-CoV-2, isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 is assigned lineage B.1.630 (Pango v.3.1.16 2021-11-25) and GISAID clade GH using Phylogenetic Assignment of Named Global Outbreak lineages (PANGO) tool. The complete genome of the clinical isolate of SARS-CoV-2, hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021 has been sequenced (GISAID: EPI_ISL_5335935). The following mutations are present in the clinical isolate: Spike A222V, Spike A243del, Spike C1253stop, Spike D614G, Spike D950N, Spike E484Q, Spike H655Y, Spike L244del, Spike N185K, Spike P9L, Spike T478R, N (Nucleocapsid) P80R, N S412N, N T205I, NS3 A39del, NS3 F43del, NS3 G44del, NS3 I37del, NS3 L41del, NS3 L46del, NS3 P36del, NS3 P42del, NS3 Q38del, NS3 Q57H, NS3 S40del, NS3 W45del, NS7b L14S, NSP1 (Non-structural protein 1) L122F, NSP2 (Non-structural protein 2) T85I, NSP2 T153A, NSP3 (Non-structural protein 3) K977Q, NSP3 Q774R, NSP3 R748S, NSP4 (Non-structural protein 4) A446V, NSP5 (Non-structural protein 5) V104I, NSP6 (Non-structural protein 6) F108del, NSP6 G107del, NSP6 S106del, NSP12 (Non-structural protein 12) P323L. There is a gap of 51 nucleotides when compared to the reference sequence. It was designated an unnamed Variant Under Monitoring (VUM) by the World Health Organization (WHO). Each vial contains approximately 0.1 mL of spin-clarified cell lysate and supernatant from Homo sapiens lung adenocarcinoma epithelial cells (Calu-3) infected with SARS-CoV-2, isolate hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021. Additional information and tools are available at [ViPR](#) (Virus Pathogen Resource).

主要内容

此项目的每个订单数量限制为1.此商品每年可订购两次.此限制的订单将在发货前发送到NIAID批准.重症急性呼吸综合征相关的冠状病毒2 (SARS-COV-2), 分离物HCOV-19 / USA / WI-IRI-001/2021从美国威斯康星州威斯康辛, 威斯康星州麦迪逊的鼻拭子中分离出来. 注意: 基因组序列信息在分析证书上提供, 并且包括对每个批次观察到的所有序列变化的分析. 注意: 在该分析中使用的参考序列, EPI_ISL_3190270不同于EPI_ISL_5335935, 该病毒提交的第1段序列.由于EPI_ISL_5335935中的质量问题, 该序列不适合比较NR-55697的顺序.选择EPI_ISL_3190270作为参考序列, 通过将内部序列映射到武汉-U-1序列来实现, 生成共识序列, 并将该顺序提交给GISAID Audacity Instant工具以查找最密切相关的序列.虽然EPI_ISL_3190270和EPI_ISL_5335935不同, 但都属于Pango谱系B.1.630, 并且该谱系的所有氨基酸突变在NR-55697序列中存在. 注意: 由于使用Pango的谱系确定的动态性质, 建议在开始工作之前确认提供的GISAID信息. 根据GISAID引入的命名系统 (全球共享所有流感数据的全球倡议), SARS-COV-2, 分离HCOV-19 / USA / WI-IRI-001/2021被分配谱系B.1.630 (Pango V.1.16 2021-11-25) 和GISAID CLADE GH使用命名的全球爆发谱系 (Pango) 工具的系统发育分配.已经测序了SARS-COV-2, HCOV-19 / USA / WI-IR-001/2021的临床分离物的完整基因组 (GISAID: EPI_ISL_5335935).以下突变存在于临床孤立中: 尖峰A222V, Spike A243Del, Spike C1253Stop, Spike D614G, Spike E484Q, Spike H655Y, Spike L244Del, Spike N185K, Spike N185K, Spike P9L, Spike T478R, N (核衣壳) P80R, N S412N, N T205I, NS3 A39DEL, NS3 F43DEL, NS3 G44DEL, NS3 I37DEL, NS3 L41DEL, NS3 L46DEL, NS3 P36DEL, NS3 P42DEL, NS3 Q38DEL, NS3 Q57H, NS3 S40DEL, NS3 W45DEL, NS7B L14S, NS3 (非结构蛋白) 1) L122F, NSP2 (非结构蛋白2) T85I, NSP2 T153A, NSP3 (非结构蛋白3) K977Q, NSP3 Q774R, NSP3 R748S, NSP4 (非结构蛋白4) A446V, NSP5 (非结构蛋白5) V104i, NSP6 (非结构蛋白6) F108DEL, NSP6 G107DEL, NSP6 S106DEL, NSP12 (非结构蛋白12) P323L.与参考序列相比, 存在51个核苷酸的间隙.它被世界卫生组织 (世卫组织) 在监测 (vum) 下指定了一个未命名的变种. 每个小瓶含有大约0.1ml的旋转澄清的细胞裂解物和来自 Homo sapiens的上清液, 肺腺癌上皮细胞 (Calu-3) 感染SARS-COV-2, 分离Hcov-19 / USA / WI- IRI-001/2021. [vpr](#) (病毒病原体资源) 提供了附加信息和工具.

厂牌介绍

BEI Resources 由美国国家过敏和传染病研究所 ([NIAID](#)) 成立, 旨在为研究 [A、B 和 C 类](#) 优先病原体、[新兴传染病](#) 病原体、非病原微生物和其他相关微生物材料提供试剂、工具和信息到研究界. BEI Resources 获取、验证和生产科学家进行基础研究和开发改进的诊断测试、疫苗和疗法所需的试剂. 通过将这些功能集中在 BEI Resources 中, 可以监控科学界对这些材料的访问和使用, 并确保试剂的质量控制.

除了为传染病界提供材料外, BEI Resources 还鼓励和支持研究人员和机构的材料存放. [使用 BEI Resources 存放材料](#) 对研究人员和研究社区有许多优势, 包括安全存储、社区访问和分发; 同时保护存款人的知识产权. 只要有需要, BEI 资源库将作为研究人员的资源进行维护. 您在 BEI Resources 的存款是一项有助于未来研究的长期投资.

BEI Resources 自 2003 年起由 [美国典型培养物保藏中心 \(ATCC\)](#) 根据合同管理. 2016 年 5 月, [ATCC](#) 获得了一份为期七年的继续管理 BEI Resources 的合同. 合同范围已扩大到更全面的研究目录材料, 包括由其他政府支持的研究项目存放的材料, 将提供给生物防御和新兴传染病科学界. 真菌、寄生虫、载体和其他相关材料已添加到现有的细菌、病毒和毒素试剂中, 涵盖 NIAID A、B 和 C 类优先病原体和 NIAID 指定的新发传染病病原体和生物.

品牌标识

beii RESOURCES

SUPPORTING INFECTIOUS DISEASE RESEARCH

产品关键词

[BEI Resources 生物材料代理进口报关公司](#)

[如何购买可以直接从BEI Resources购买菌种吗](#)
[BEI Resources生物材料库中国官网是?](#)
[BEI Resources生物材料库中国代理](#)
[BEI Resources怎么查询菌株抗体细胞](#)
[NR-55697 SARS 相关冠状病毒 2](#)
[分离株 hCoV-19/USA/WI-IRI-001/2021\(B.1.630 谱系\)\(病毒\)](#) , [NR-1_Vaccinia virus Modified Vaccinia Ankara \(MVA\)\(Viruses\)](#)
[Modified Vaccinia Ankara \(MVA\)](#) , [生物试剂报关BEI Resources](#)
[NIAID](#)
[NIH](#)
[NIAID全称是美国国家过敏和传染病研究所](#)

手机扫描二维码阅读本页



可能感兴趣的内容

[NR-46889金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌、JE2、转座子突变体NE346\(SAUSA300_1346\)\(突变细菌\)](#)
2022-04-01
[NR-47676金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌,USA300JE2,转座子突变体SAUSA300_0941\(NE1133\)\(突变体细菌\)](#)
2022-04-01
[NR-18374结核分枝杆菌、CDC1551、转座子突变体2126\(MT3330、Rv3233c\)\(突变细菌\)](#)
2022-04-01
[用于泌尿外植入物的人工模拟合成尿液，非含防腐剂（BZ101）200ml](#)
2021-12-13
[用好细胞“信号兵” 拓荒制药“处女地”](#)
2022-01-10
[NR-47675金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌,USA300JE2,转座子突变体SAUSA300_2599\(NE1132\)\(突变细菌\)](#)
2022-04-01
[2024 11 21 HackerNews](#)
2024-11-17
[研究发现神经酰胺介导内质网应激信号跨细胞传递的新机制](#)
2025-03-31
[NR-47674金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌,USA300JE2,转座子突变体SAUSA300_2395\(NE1131\)\(突变体细菌\)](#)
2022-04-01
[KPCY小鼠胰腺癌细胞系\(6422C5\)](#)
2021-12-21
[NR-4605来自肠沙门氏菌亚种的基因组DNA.enterica,2004年宾夕法尼亚番茄爆发,SerovarThompson,分离物6\(核酸\)](#)
2022-03-31
[DOWSIL陶熙SYLGARD 184 PDMS 道康宁光学实验胶 灌封胶 19.9kg](#)
2021-12-02
[NR-47673金黄色葡萄球菌亚种.金黄色葡萄球菌、USA300JE2、转座子突变体SAUSA300_1561\(NE1130\)\(突变细菌\)](#)
2022-04-01
[MRA-1217_恶性疟原虫,NF54HT-GFP-luc\(寄生原生动\)](#)
2022-04-01
[NR-9536?巴拉那病毒,12056\(病毒\)](#)
2022-04-01
[NR-44012_PeptideArray,InfluenzaVirusA/Shanghai/1/2013\(H7N9\)HemagglutininProteinDiversePeptides\(PeptidesandPeptideArrays\)](#)
2022-04-01
[科学家揭示“刺猬基因”功能的阶梯式演化](#)
2020-08-04
[姚骏组科研助理招聘信息](#)
2021-10-31
[NR-18084结核分枝杆菌、CDC1551、转座子突变体1364\(MT1301、Rv1263\)\(突变细菌\)](#)
2022-04-01
[研究发现健康妊娠情况下羊膜腔内是无菌的](#)
2025-03-07